

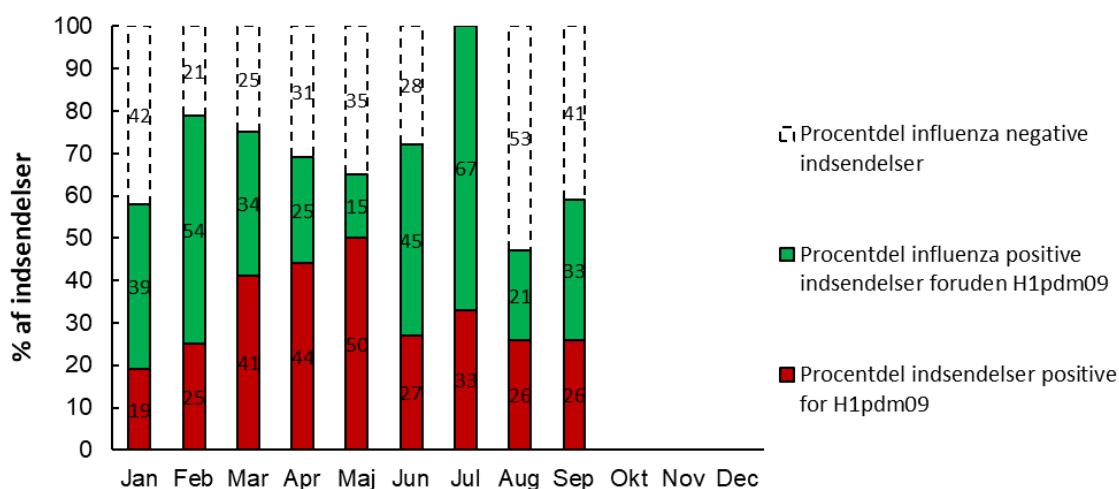
# Overvågning af Influenza A virus i svin i Danmark

## Prøver og resultater 2022

	Jan	Feb	Mar	Apr	Maj	Jun	Jul	Aug	Sep	Okt	Nov	Dec
<b>Modtaget</b>												
Prøver, n	137	204	235	146	73	63	16	48	139			
Indsendelser, n	41	52	75	39	20	18	6	19	42			
Besætninger, n	39	51	72	38	20	18	6	19	42			
<b>Influenza positiv</b>												
Prøver, n	67	124	133	65	45	32	13	21	69			
Indsendelser, n	24	41	56	27	13	13	6	9	25			
Besætninger, n	22	40	55	27	13	13	6	9	25			
<b>H1pdm09 positiv</b>												
Prøver, n	14	39	57	23	29	15	5	10	27			
Indsendelser, n	8	13	26	10	10	5	2	5	11			
Besætninger, n	8	13	25	10	10	5	2	5	11			

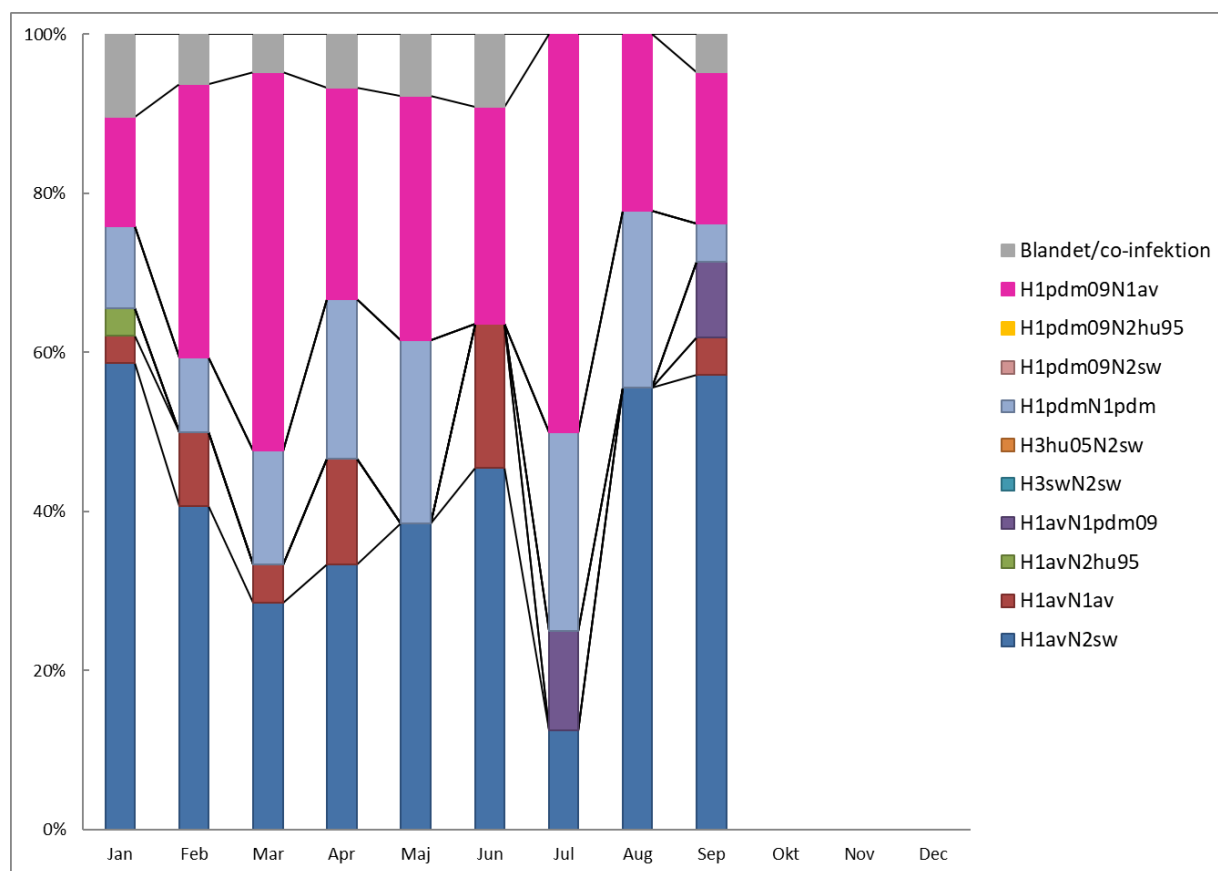
Tabellen viser antallet af prøver, der indgår i overvågningen og resultaterne for influenza A virus påvisning og H1pdm09 (pandemisk influenza) subtypning fordelt på hhv. det samlede antal prøver, antallet af indsendelser og antallet af besætninger, der indgår i overvågningen den pågældende måned.

Der er i september måned modtaget 42 indsendelser fra 42 besætninger registreret med forskellige CHR numre. I gennemsnit er der modtaget 3,3 prøver per indsendelse. I alt har 59 % af indsendelserne mindst én prøve, der er positiv for influenza, hvilket er en markant stigning i forhold til den lave andel set i august måned, men på niveau med tidligere måneder. Der er påvist H1pdm09 i 44 % af de influenzavirus positive indsendelser, hvilket er på niveau med marts måned.



Figuren viser den procentvise andel af influenza negative og positive indsendelser, samt andelen af H1pdm09 indsendelser.

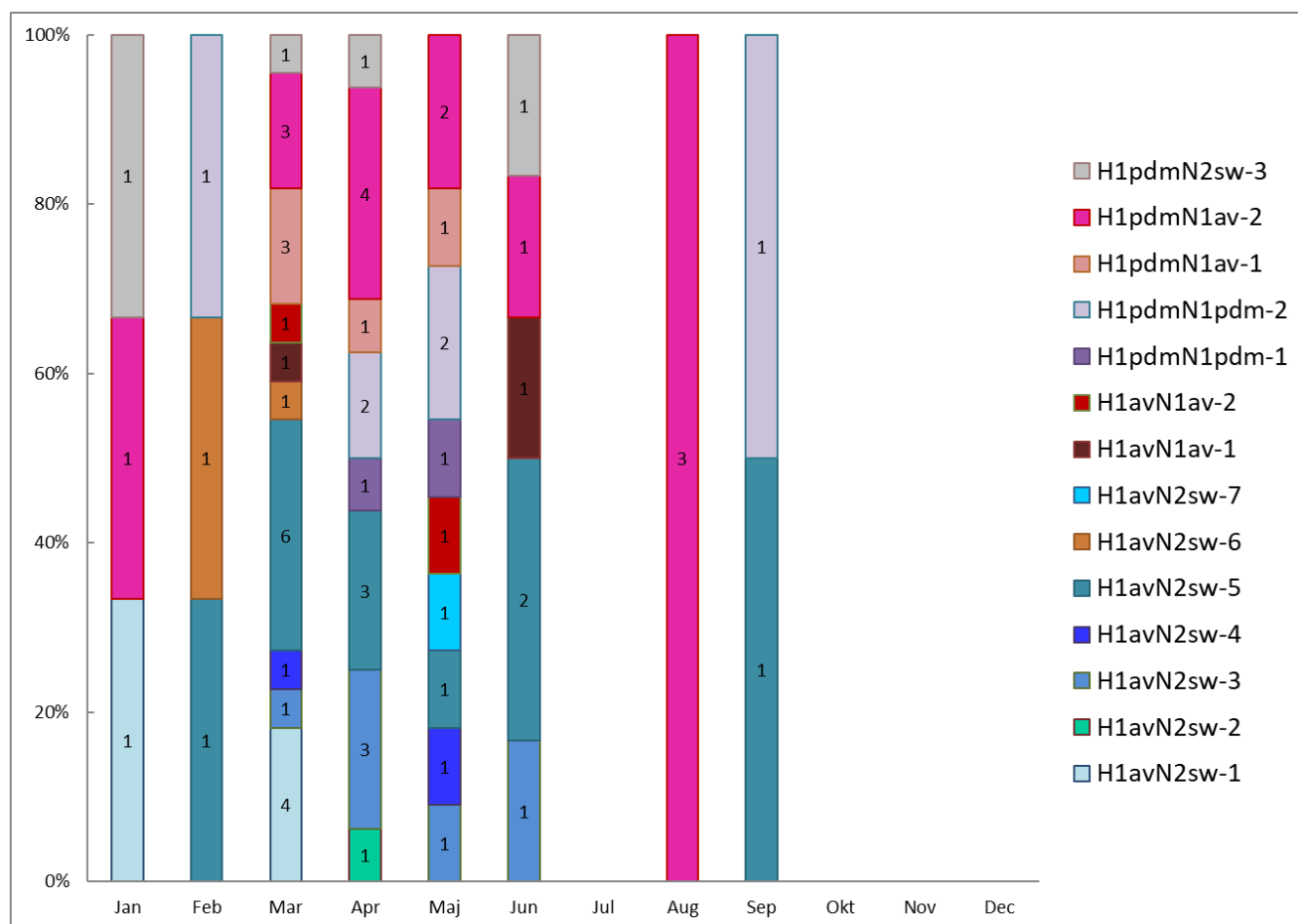
## Fordeling af subtyper



Svineinfluenzavirus kan opdeles i forskellige undertyper også kaldet subtyper og genotyper, baseret på sekvensen af deres arvemateriale. Viden om cirkulerende subtyper er vigtig i forhold til valg af vaccine, optimering af diagnostikken og vurdering af den zoonotiske risiko.

I september er subtypen blevet bestemt for 21 indsendelser. I denne måned udgør H1avN2sw over halvdelen af alle de subtypede indsendelser, hvorimod H1pdmN1av udgør cirka 20%. Interessant for september måned er, at der er påvist H1avN1pdm i to sager. H1avN1pdm er tidligere i år kun påvist i én sag i juli måned, og har ikke været set de sidste to år i overvågningen. H1avN1pdm blev påvist første gang i 2018 i én sag, og er påvist i yderligere én sag i 2019. Genotypen er i alt blevet bestemt for to indsendelser i september måned.

## Fordeling af genotyper



Figuren angiver fordelingen af forskellige genotyper påvist i den angivne måned, og tallet der fremgår på hver blok i søjlen, angiver antallet af prøver karakteriseret af den angivne genotype. Se "oversigt over genotyper" for at finde oprindelsen af hvert gensegment i den angivne genotype. Du finder ud af hvilken genotype din prøve er, ved at trykke Ctrl + f og indtaste dit "Sagsnr." fra laboratoriesvaret fra SSI i det fylogenetiske træ. Alle sekvenser fra overvågningen i det fylogenetiske træ er mærket med "\_" og så genotypen i enden af deres navn. Fx "2022-00033-8\_H1avN2sw-2". Hvis en sekvens er mærket med "-0" i slutningen af genotypen er det fordi at kun HA og NA sekvenserne har været tilgængelige for den enkelte prøver, og derfor kunne genotypen ikke bestemmes.

# Fylogenetisk analyse

Fylogenetisk træ - Influenza A virus overvågning i Danske svin September 2022

**FIND DIN PRØVE:** Tryk "ctrl + F" og søg på dit sagsnummer. fx "22-7479-1"  
Vær opmærksom på at prøver indsendt til SSI starter med "SI" og er navngivet med SSI's sagsnummer, mens prøver indsendt til Veterinært laboratoriet, Kjellerup starter med "LF" og er navngivet med Kjellerups sagsnummer.

