

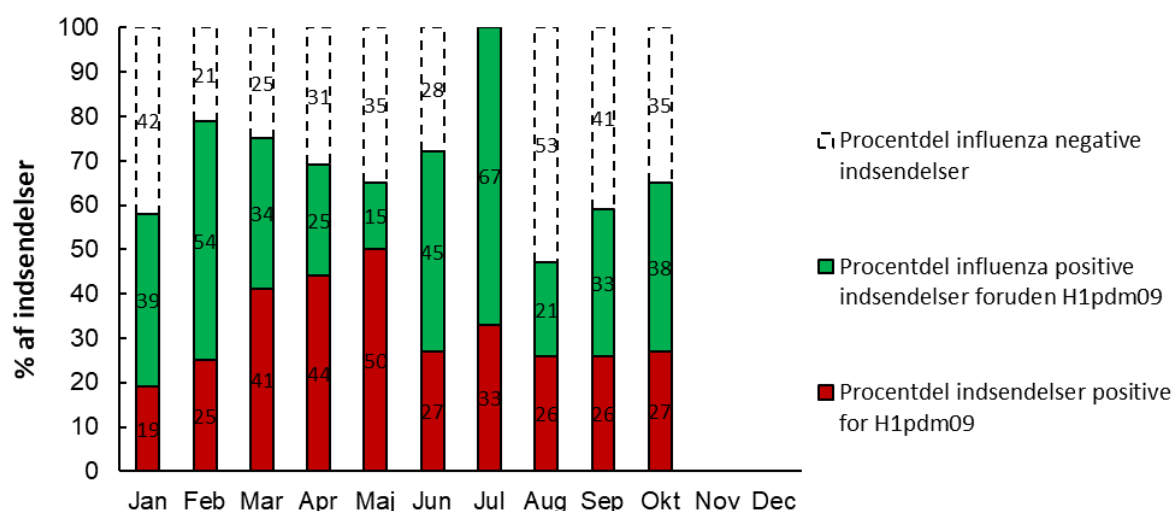
Overvågning af Influenza A virus i grise i Danmark

Prøver og resultater 2022

	Jan	Feb	Mar	Apr	Maj	Jun	Jul	Aug	Sep	Okt	Nov	Dec
Modtaget												
Prøver, n	137	204	235	146	73	63	16	48	139	119		
Indsendelser, n	41	52	75	39	20	18	6	19	42	40		
Besætninger, n	39	51	72	38	20	18	6	19	42	37		
Influenza positiv												
Prøver, n	67	124	133	65	45	32	13	21	69	60		
Indsendelser, n	24	41	56	27	13	13	6	9	25	26		
Besætninger, n	22	40	55	27	13	13	6	9	25	26		
H1pdm09 positiv												
Prøver, n	14	39	57	23	29	15	5	10	27	11		
Indsendelser, n	8	13	26	10	10	5	2	5	11	7		
Besætninger, n	8	13	25	10	10	5	2	5	11	7		

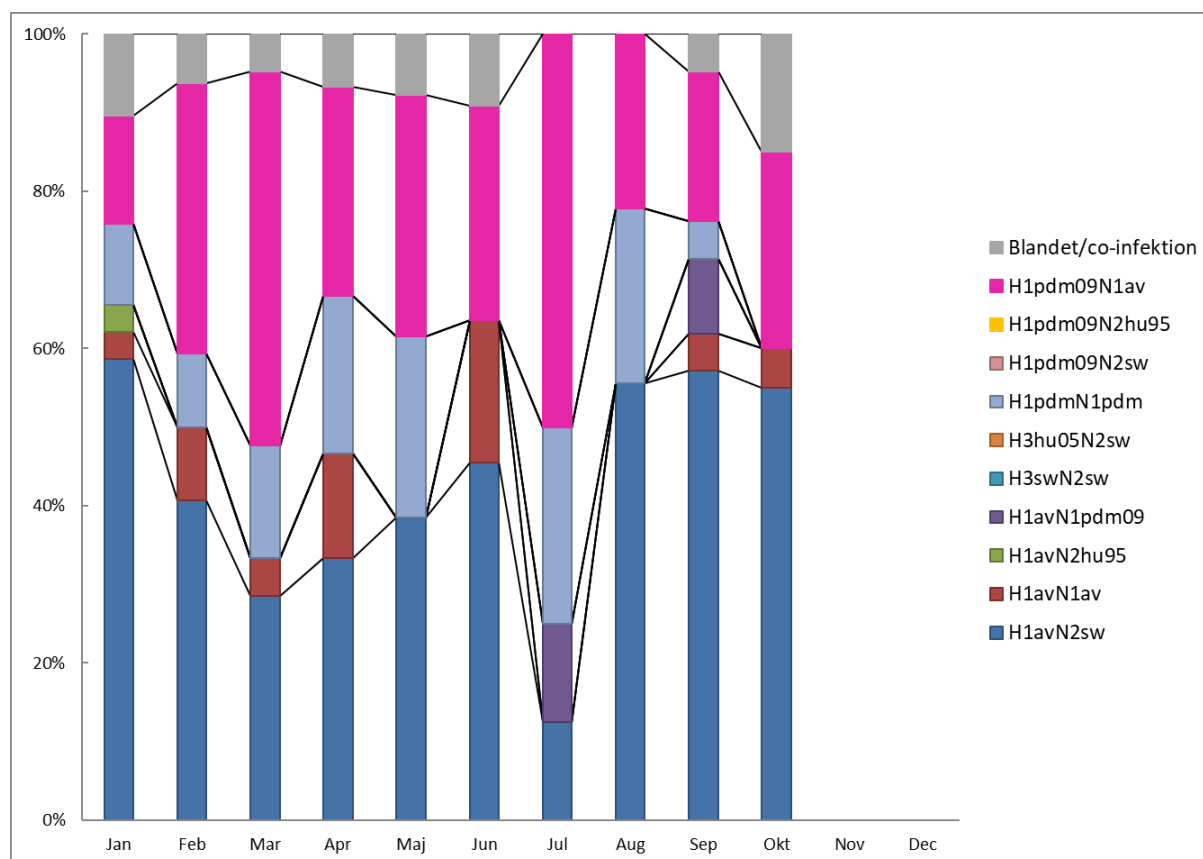
Tabellen viser antallet af prøver, der indgår i overvågningen og resultaterne for influenza A virus påvisning og H1pdm09 (pandemisk influenza) subtypning fordelt på hhv. det samlede antal prøver, antallet af indsendelser og antallet af besætninger, der indgår i overvågningen den pågældende måned.

Der er i oktober måned modtaget 40 indsendelser fra 37 besætninger registreret med forskellige CHR numre. I gennemsnit er der modtaget 3 prøver per indsendelse. I alt har 65 % af indsendelserne mindst én prøve, der er positiv for influenza, hvilket er en stigning i forhold til de seneste to måneder, og på niveau med det høje niveau set i foråret. Der er påvist H1pdm09 i 42 % af de influenzavirus positive indsendelser, hvilket er på niveau med september måned.



Figuren viser den procentvise andel af influenza negative og positive indsendelser, samt andelen af H1pdm09 indsendelser.

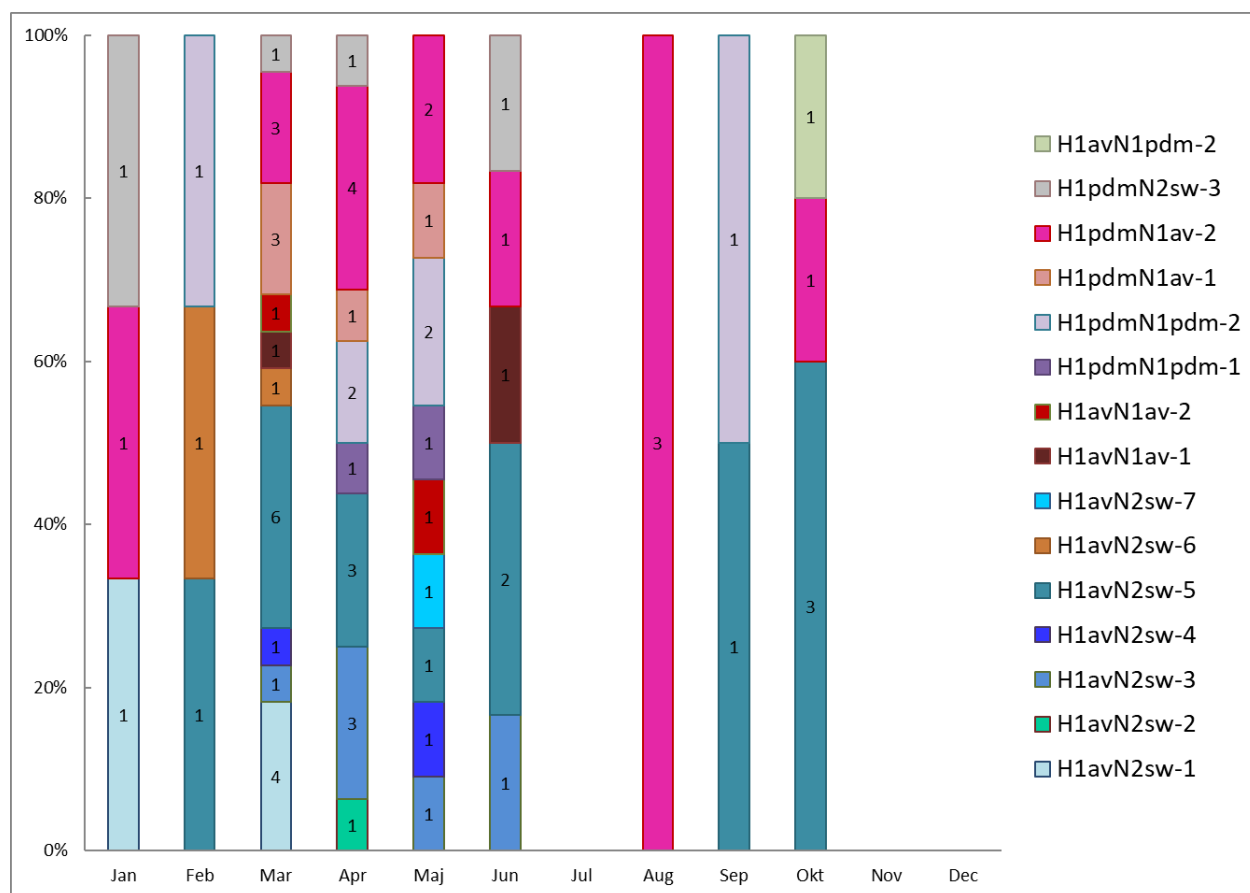
Fordeling af subtyper



Svineinfluenzavirus kan opdeles i forskellige undertyper også kaldet subtyper og genotyper, baseret på sekvensen af deres arvemateriale. Viden om cirkulerende subtyper er vigtig i forhold til valg af vaccine, optimering af diagnostikken og vurdering af den zoonotiske risiko.

I oktober er subtypen blevet bestemt for 21 indsendelser. I denne måned udgør H1avN2sw over halvdelen af alle de subtypede indsendelser, hvorimod H1pdmN1av udgør cirka 24 %. Denne måned er der registreret flere indsendelser, hvor der er tegn på co-infektion med forskellige influenza subtyper. Genotypen er i alt blevet bestemt for fem indsendelser i oktober måned. Det er interessant at genotypen er blevet bestemt for én af de to H1avN1pdm, der blev registreret i forrige måned, og at NS genet for denne virus er af avian-like H1N1 oprindelse, mens de resterende gener er af H1N1pdm09 oprindelse.

Fordeling af genotyper



Figuren angiver fordelingen af forskellige genotyper påvist i den angivne måned, og tallet der fremgår på hver blok i søjlen, angiver antallet af prøver karakteriseret af den angivne genotype. Se "oversigt over genotyper" for at finde oprindelsen af hvert gensegment i den angivne genotype. Du finder ud af hvilken genotype din prøve er, ved at trykke Ctrl + f og indtaste dit "Sagsnr." fra laboratoriesvaret fra SSI i det fylogenetiske træ. Alle sekvenser fra overvågningen i det fylogenetiske træ er mærket med "_" og så genotypen i enden af deres navn. Fx "2022-00033-8_H1avN2sw-2". Hvis en sekvens er mærket med "-0" i slutningen af genotypen er det fordi at kun HA og NA sekvenserne har været tilgængelige for den enkelte prøver, og derfor kunne genotypen ikke bestemmes.

Fylogenetisk analyse

