

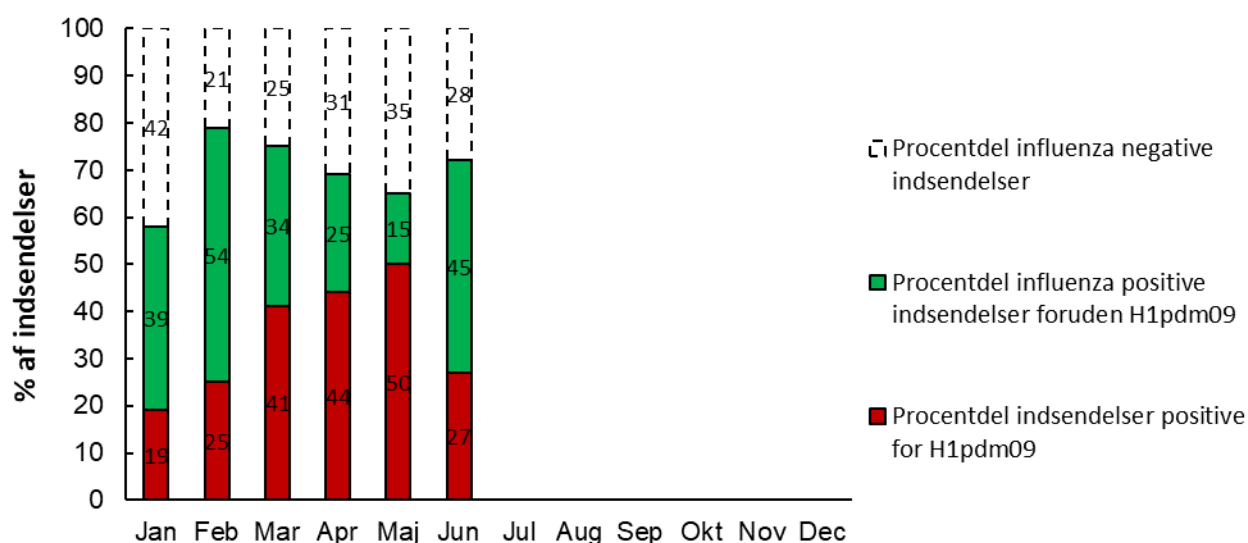
# Overvågning af Influenza A virus i svin i Danmark

## Prøver og resultater 2022

	Jan	Feb	Mar	Apr	Maj	Jun	Jul	Aug	Sep	Okt	Nov	Dec
<b>Modtaget</b>												
Prøver, n	137	204	235	146	73	63						
Indsendelser, n	41	52	75	39	20	18						
Besætninger, n	39	51	72	38	20	18						
<b>Influenza positiv</b>												
Prøver, n	67	124	133	65	45	32						
Indsendelser, n	24	41	56	27	13	13						
Besætninger, n	22	40	55	27	13	13						
<b>H1pdm09 positiv</b>												
Prøver, n	14	39	57	23	29	15						
Indsendelser, n	8	13	26	10	10	5						
Besætninger, n	8	13	25	10	10	5						

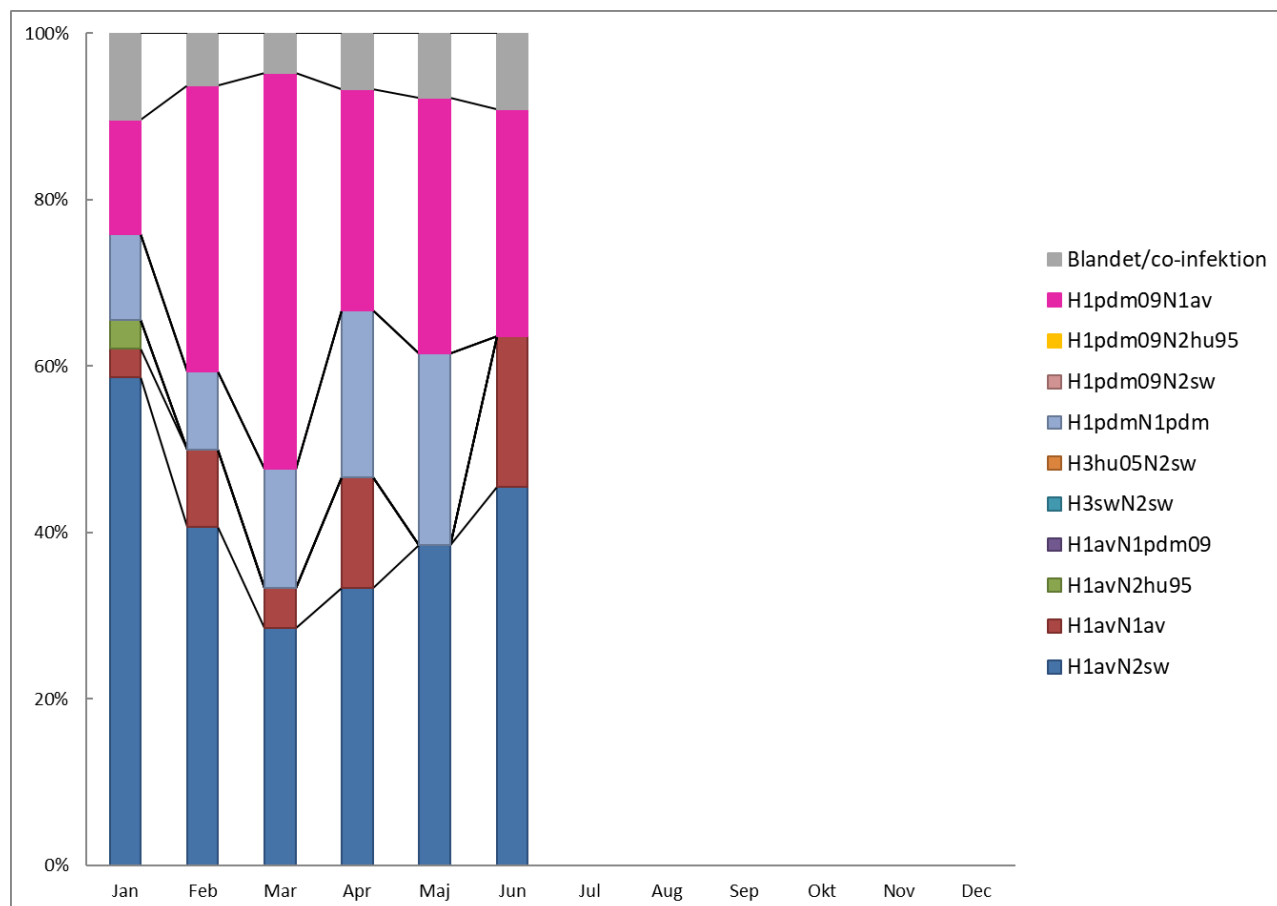
Tabellen viser antallet af prøver, der indgår i overvågningen og resultaterne for influenza A virus påvisning og H1pdm09 (pandemisk influenza) subtypning fordelt på hhv. det samlede antal prøver, antallet af indsendelser og antallet af besætninger, der indgår i overvågningen den pågældende måned.

Der er i juni måned modtaget 18 indsendelser fra 18 besætninger registreret med forskellige CHR numre. I gennemsnit er der modtaget 3,5 prøver per indsendelse. I alt har 72 % af indsendelserne mindst én prøve, der er positiv for influenza, hvilket er på niveau med den høje andel af positive sager, der er registreret i de seneste måneder. Der er påvist H1pdm09 i 38 % af de influenzavirus positive indsendelser, hvilket er markant lavere end andelen registreret de seneste tre måneder. Der skal dog tages højde for at denne procentdel er udregnet på baggrund af et meget lavt antal indsendelser i juni måned.



Figuren viser den procentvise andel af influenza negative og positive indsendelser, samt andelen af H1pdm09 indsendelser.

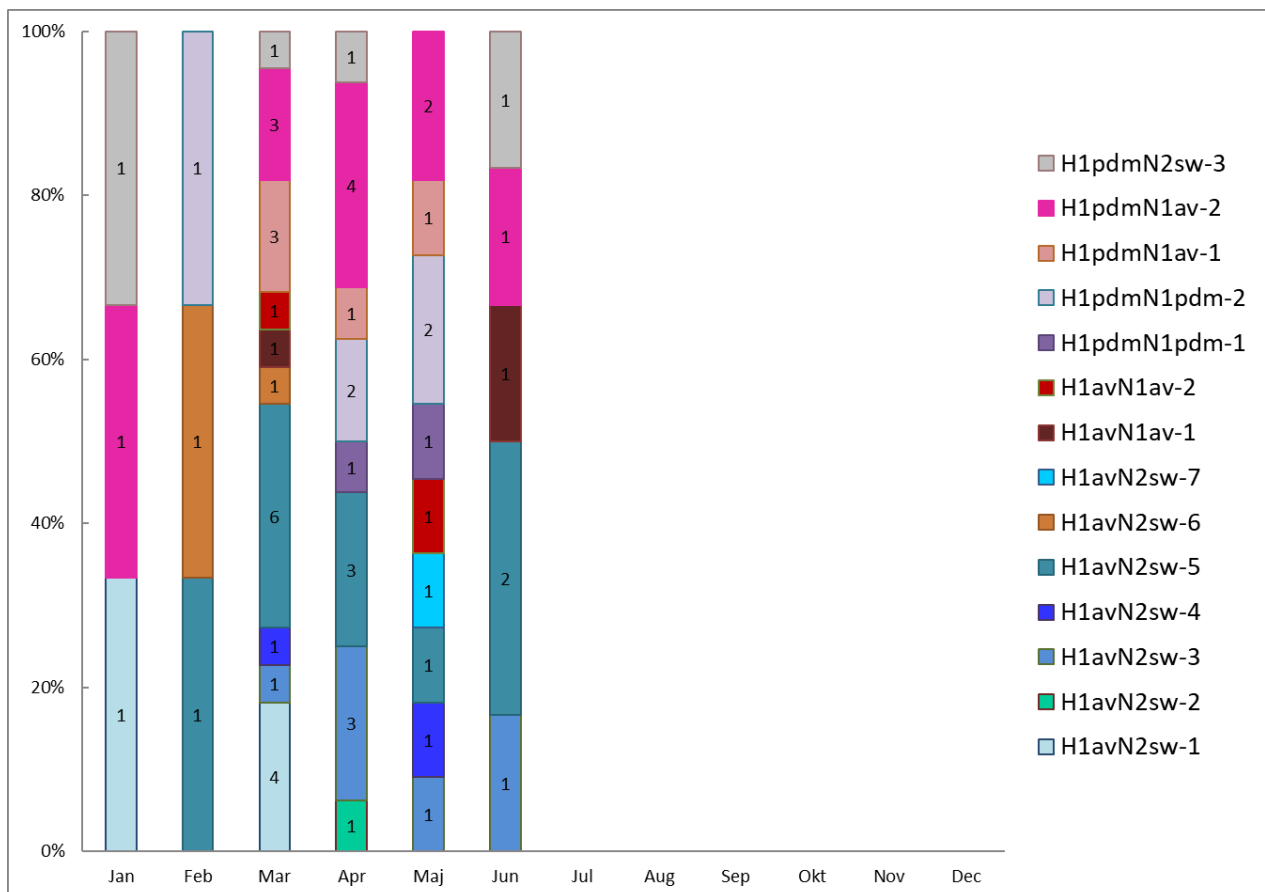
## Fordeling af subtyper



Svineinfluenzavirus kan opdeles i forskellige undertyper også kaldet subtyper og genotyper, baseret på sekvensen af deres arvemateriale. Viden om cirkulerende subtyper er vigtig i forhold til valg af vaccine, optimering af diagnostikken og vurdering af den zoonotiske risiko.

I juni er subtypen blevet bestemt for 11 indsendelser. I denne måned er H1avN2sw den mest dominerende subtype og udgør 45 % af de subtypede indsendelser, hvorimod H1pdmN1av kun udgør 27 % af de subtypede indsendelser. I 9 % af de subtypede indsendelser var der tegn på tilstedeværelse af flere subtyper, hvilket kan betyde at den indsendende besætning har flere subtyper cirkulerende.

## Fordeling af genotyper



Figuren angiver fordelingen af forskellige genotyper påvist i den angivne måned, og tallet der fremgår på hver blok i søjlen, angiver antallet af prøver karakteriseret af den angivne genotype. Se "oversigt over genotyper" for at finde oprindelsen af hvert gensegment i den angivne genotype. Du finder ud af hvilken genotype din prøve er, ved at trykke Ctrl + f og indtaste dit "Sagsnr." fra laboratoriesvaret fra SSI i det fylogenetiske træ. Alle sekvenser fra overvågningen i det fylogenetiske træ er mærket med "\_" og så genotypen i enden af deres navn. Fx "2022-00033-8\_H1avN2sw-2". Hvis en sekvens er mærket med "-0" i slutningen af genotypen er det fordi at kun HA og NA sekvenserne har været tilgængelige for den enkelte prøve, og derfor kunne genotypen ikke bestemmes.

## Fylogenetisk analyse

**Fylogenetisk træ - influenza A virus overvågning i Danske svin Juni 2022**

**FIND DIN PRØVE:** Tryk "ctrl + f" og søg på dit sagsnummer. fx "22-7479-1"  
 Vær opmærksom på at prøver indsendt til SSI starter med "SI" og er navngivet med SSI's sagsnummer, mens prøver indsendt til Veterinært Laboratorium, Kjellerup starter med "LF" og er navngivet med Kjellerups sagsnummer.



**H1pdmN1av**  
 (Ny reassortant med pandemisk H1 og avært N1 fra den "almindelige" danske H1N1)

**MT690848\_Sw**  
**Svine adapteret H1pdmN1x**  
 (Virus der stammer fra pandemien i 2009, men er muteret for at passe sigt svin)

**Human**  
**sæson like H1pdmN1x**  
 (Virus der ligner den pandemiske sæson influenza, der cirkulerer i mennesker)

**H1av vaccine stamme fra Resporc FLU21**

**H1av vaccine stamme fra Resporc FLU13**

**H1pdm vaccine stamme fra Resporc FLU21pdm H1N1**

**H1avNx**  
 (Indeholder både H1avN2av, som har været den mest almindelige subtype i Danmark og avær H1avN1av, som var den første influenza vi så i Danske svin)